



PROGRAMA DE DISCIPLINA

Nome da disciplina (código): Análise proteômica: princípio e aplicações em micro-organismos (DMD4005/PCS61)

Créditos			Carga horária total: 15 horas	Ano: 2024	Nível: Mestrado Doutorado
Total: 01	Práticos: 0	Teóricos: 01			

Pré-requisitos: Não há.

Co-requisitos: Não há.

Professor(es) responsável(eis):

Profa. Dra. Paula A. Z. Campanerut-Sá

Departamento: Análises Clínicas e Biomedicina (DAB/CCS/UEM)

Ementa:

Princípios básicos sobre a metodologia de análise proteômica e suas aplicações em estudos com micro-organismos.

Objetivo:

Fornecer aos alunos de pós-graduação fundamentos sobre análise proteômica e suas aplicações em estudos com micro-organismos.

Programa:

1. Conceitos e definições importantes no estudo de proteínas
2. Princípio e fundamento da análise proteômica
3. Métodos utilizados para estudo das alterações proteicas em micro-organismos
4. Métodos utilizados para avaliação das alterações proteicas em micro-organismos
5. Aplicações da análise proteômica em micro-organismos

Metodologia:

Aulas expositivas contemplem apresentação de exemplos, artigos e solução de problemas práticos.

Aprovado na 1ª Reunião do Conselho Acadêmico do Programa de Pós-Graduação em Ciências da Saúde (PCS) em 05/02/2024

Profª Drª Melyssa Fernanda Norman Negri Grassi
Coordenadora PCS



Avaliação:

A avaliação contará com apresentação de seminários e participação valendo de 0 (zero) a 10 (dez), podendo-se solicitar lista(s), trabalho(s) como forma complementar de avaliação.

Conceitos:

A = 9,0 a 10,0

B = 7,5 a 8,9

C = 6,0 a 7,4

R = inferior a 6,0

Serão considerados aprovados os alunos que obtiverem os conceitos A, B ou C e porcentagem mínima de frequência de 75% de presença.

Número mínimo de alunos: 03

Número máximo de alunos: 15

Referências:

Livros:

Souza, D.M. Shotgun Proteomics: Methods and Protocols. Vol 1156. 2017.

Periódicos:

Journal of Proteomics

Proteomics

Journal of Proteome Research

Artigos científicos:

Bludau, I. and Aebersold, R. Proteomic and interactomic insights into the molecular basis of cell functional diversity. *Nat Rev Mol Cell Biol.* 21(6):327-340, 2020.

Chen, C., Hou, J., Tanner, J.J., Cheng, J. Bioinformatics Methods for Mass Spectrometry-Based Proteomics Data Analysis. *Int J Mol Sci*, 20;21(8):2873, 2020.

Matthiesen, R. and Bunkenborg, J. Introduction to Mass Spectrometry-Based Proteomics., *Methods Mol Biol*, 2051:1-58, 2020.

Aprovado na 1ª Reunião do Conselho Acadêmico do Programa de Pós-Graduação em Ciências da Saúde (PCS) em 05/02/2024

Profª Drª Melyssa Fernanda Norman Negri Grassi
Coordenadora PCS